



|   |  |
|---|--|
| <b>CANCER BRONCHOPULMONAIRE (Tissus)</b>  | <b>CANCER COLORECTAL</b>   |
| <input type="checkbox"/> EGFR (test ciblé rapide)<br><input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont EGFR-KRAS-BRAF-ERBB2-PIK3CA-STK1-KEAP1-TP53...)<br><input type="checkbox"/> Panel Fusion ARN (dont ALK, ROS-1, NTRK1/2/3, RET, METex14...)<br><input type="checkbox"/> ALK (IHC/NGS ARN/Biocartis) <input type="checkbox"/> ROS-1 (IHC/NGS ARN/Biocartis) | <input type="checkbox"/> KRAS – NRAS – BRAF<br><input type="checkbox"/> NGS ADN (dont KRAS-NRAS-BRAF-ERBB2-PIK3CA-MET...)<br><input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont NTRK1/2/3...)   |
| <b>CANCER BRONCHOPULMONAIRE (ADNtc)</b>   | <b>GIST</b>  |
| <input type="checkbox"/> EGFR ciblé rapide<br><input type="checkbox"/> Panel NGS ADNtc (dont EGFR-KRAS-ALK)   | <input type="checkbox"/> NGS ADN (dont KIT-PDGFR...)<br><input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont NTRK1/2/3...)  |
| <b>CANCER DES VOIES BILIAIRES (intra- ou extra-hép.)</b>  | <b>CANCER DU PANCREAS</b>  |
| <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont IDH1...)<br><input type="checkbox"/> Panel Fusion ARN (dont FGFR2-NTRK1/2/3...)  | <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont BRCA1-BRCA2-KRAS...)<br><input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont NTRK1/2/3...)   |
| <b>CANCER DES VOIES URINAIRES</b>   | <b>CANCER DE LA THYROÏDE</b>   |
| <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont FGFR1-FGFR2-FGFR3...)<br><input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont FGFR-NTRK1/2/3...)  | <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont BRAF, RET, KRAS, PTEN...)<br><input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont RET-ALK-FGFR-NTRK1/2/3...)   |
| <b>CANCER DE L'ENDOMETRE</b>  | <b>CANCER DE L'OVAIRE</b>  |
| <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont POLE-PTEN-KRAS-PIK3CA...)  | <input type="checkbox"/> Panel NGS-statut HRD (dont BRCA1-BRCA2 + gènes HRR (RAD51, ATM)...)   |
| <b>GLIOME</b>   | <b>MELANOME</b>  |
| <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont IDH1-IDH2-PTEN-pTERT, CDKN2A-TP53, ATRX...)<br><input type="checkbox"/> CGH (anomalies chromosomiques 1p19q, 10p10q, 7p, EGFR...)<br><input type="checkbox"/> Méthylation MGMT   | <input type="checkbox"/> BRAF (codon Val600) test ciblé rapide<br><input type="checkbox"/> NGS ADN (dont BRAF-NRAS-KIT-PDGFR...)<br><input type="checkbox"/> Panel Fusion ARN (dont FGFR1...)  |
| <b>CANCER DU SEIN</b>   | <b>MENINGIOME</b>  |
| <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont BRCA1-BRCA2-PALB2-PIK3CA-PTEN-ESR1...)<br><input type="checkbox"/> NGS ARN Fusion (dont NTRK1/2/3...)  | <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont TRAF7-KLF4-CDKN2A-NF2-SMARCE1/B1...)<br><input type="checkbox"/> CGH (anomalies chromosomiques dont chromosome 1p, 22...)   |
| <b>CANCER DE LA PROSTATE</b>  | <b>LYMPHOME</b>  |
| <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (dont BRCA1-BRCA2 + autres gènes HRR (RAD51, ATM)...)  | <input type="checkbox"/> Test diagnostique LymphoSign (analyse de 48 gènes)  |
| <b>STATUT MMR SOMATIQUE (COLON, ENDOMETRE, OESOGASTRIQUE, CHOLANGIOCARCINOME, CORTICOSURRENALOME, AUTRES)</b>   |  |
| Méthode souhaitée pour STATUT MMR :<br><input type="checkbox"/> IHC <input type="checkbox"/> MSI (biologie moléculaire) <input type="checkbox"/> Méthylation MLH1   | <b>INDICATION DE LA RECHERCHE</b><br><input type="checkbox"/> Dépistage / Suspicion Syndrome de Lynch<br>Si suspicion, préciser ATCDs familiaux, âge jeune :<br><input type="checkbox"/> Adaptation thérapeutique / pronostique<br><input type="checkbox"/> Immunothérapie |

|  |  |
|--|--|
| <b>STATUT HER2</b>   | <b>STATUT PD-L1</b>  |
| <input type="checkbox"/> Sein <input type="checkbox"/> Oeso-gastrique <input type="checkbox"/> Colon <input type="checkbox"/> AUTRE :<br><input type="checkbox"/> HER2 (IHC) <input type="checkbox"/> HER2 (DDISH) | PRÉCISER L'ORGANE :<br><input type="checkbox"/> PDL1 (IHC) |

|   |   |
|---|---|
| <b>AUTRES BIOMARQUEURS ET/OU TESTS MOLECULAIRES</b>   |   |
| <input type="checkbox"/> <b>AUTRE ANALYSE DE BIOLOGIE MOLECULAIRE (Préciser) :</b><br><input type="checkbox"/> Analyse CGH <input type="checkbox"/> Analyse IHC (marqueur à préciser) : <input type="checkbox"/> Analyse FISH (marqueur à préciser) : |   |
| PRÉCISER L'ORGANE :                      PRÉCISER LE TYPE HISTOLOGIQUE :<br>PRÉCISER L'ANOMALIE(S) A RECHERCHER :   |   |
| <b>ANALYSES NGS</b>   | <b>CIBLES ANALYSEES</b>   |
| <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN (tum. solides)   | AKT1, ALK, BRAF, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB4, FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, IDH1, IDH2, KEAP1, KRAS, KIT, MET, NRAS, PIK3CA, PDGFRA, POLE, STK11, TP53  |
| <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN tumoral circulant  | ALK-BRAF-CDK12-CLIP4-EGFR-ERBB2-GSDMB-IKZF3-LBH-KRAS-KIT-MAP2K1-MET-NRAS-PIK3CA-POLE-PTEN-CTNNB1-STAR3-STK11  |
| <input type="checkbox"/> Panel Fusion ARN   | Transcrits de fusion ALK, BRAF, FGFR1, FGFR2, FGFR3, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS-1 / Recherche de transcrit mutant EGFRvIII / Recherche de transcrit alternatif MET exon 14   |
| <input type="checkbox"/> Panel HRR NGS + HRD (Déficience recombinaison homologue)   | ARID1A, ATM, BARD1, BRAF, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CCNE1, CHEK1, CHEK2, CDK12, EPCAM, ESR1, FANCA, FANCL, FANCD2, MLH1, MSH2, MSH6, MRE11, NBN, PALB2, PIK3CA, PMS2, POLD1, POLE, PPP2R2A, PTEN, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, TP53 + technologie HRD Shallow   |
| <input type="checkbox"/> Panel NGS ADN étendu + MSI   | ARID1A, AKT1, ALK, ATM, ATRX, BARD1, BRAF, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CCNE1, CDKN2A, CDKN2B, CHEK1, CHEK2, CDK12, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB4, EPCAM, ESR1, FANCA, FANCL, FANCD2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, Histone H3-3A, Histone H3-C2, IDH1, IDH2, KEAP1, KIT, KLF4, KRAS, MET, MLH1, MSH2, MSH6, MRE11, NBN, NF2, NRAS, PALB2, PDGFRA, PIK3CA, PMS2, POLD1, POLE, POLR2A, PPP2R2A, PTEN, PTPN11, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, RET, SMARCB1, SMARCE1, SMO, STK11, TERT, TP53, TRAF7 + MSI |
| <input type="checkbox"/> Panel NGS LARGE (FMI, sous-traité)   | 324 gènes + Statut microsatellitaire et TMB (charge mutationnelle tumorale) ; infos sur <a href="https://www.foundationmedecine.fr/">https://www.foundationmedecine.fr/</a>   |

REMARQUES/PRECISIONS :